

DESENVOLVIMENTO DE MARCADORES MICROSSATÉLITES A PARTIR DE BIBLIOTECAS GENÔMICAS ENRIQUECIDAS PARA *Brachiaria humidicola*

Santos JCS¹, FA Oliveira¹, CBC Silva¹, BBZ Vigna², AP Souza¹.

1 Centro de Biologia Molecular e Engenharia Genética, Departamento de Genética e Evolução, Instituto de Biologia, UNICAMP, CP 6010, CEP 13083-875, Campinas, 2 Embrapa Pecuária Sudeste, CEP 13560-970, São Carlos, SP, Brasil.
e-mail: jsantos.mt@hotmail.com

Brachiaria humidicola, é uma espécie poliploide e apomítica, nativa do leste e sudeste da África Tropical. Apresenta potencial de se estabelecer em solos fracos e ácidos e boa adaptação a solos com baixa drenagem, por isso essa gramínea alcançou grande importância econômica para a pecuária no Brasil. O acesso a diversidade genética, o mapeamento de características de importância econômica e a construção de mapas genético-moleculares, são de extrema importância para o conhecimento genético da espécie, contribuindo para o avanço dos programas de melhoramento genético. Assim, o objetivo desse trabalho foi desenvolver marcadores microssatélites (SSR) para *B. humidicola*, a partir de duas bibliotecas genômicas enriquecidas com sondas biotiniladas [(CT)_n e (GT)_n] para um genótipo sexual da espécie. Um total de 192 clones foram selecionados e sequenciados. As sequências foram analisadas com os pacotes Phred & Phrap e a identificação das regiões SSR realizadas com o software MISA. Foram descartadas 24 sequências, devido a ambiguidades no cromatograma. Das 168 sequências analisadas, foram detectadas 116 contendo SSR, representando um índice de enriquecimento das colônias de 69,05%. Foram encontrados 170 SSR, sendo 136 simples perfeitos, 20 compostos imperfeitos e 12 compostos perfeitos. Os dinucleotídeos foram os mais abundantes (82,35%), seguidos pelos mono (10, 58%), penta (3,52%), tri (2,35%), tetra (0,58%), e hexanucleotídeos (0,58%). Ainda, 66,47% dos microssatélites foram classificados como Classe I (>20pb) e 33,52 pertencentes à Classe II (entre 12 a 20pb).

Apoio: CAPES