Avaliação da resistência de plantas transgênicas resistentes a *Begomovirus* em relação à infecção por vírus de outros grupos

(Resistance evaluation of transgenic plants resistant to a *Begomovirus* against infection of viruses from other groups)

Autores: NAGATA, A. K. I. (CNPH - Embrapa Hortaliças) <u>SOUZA, J. O. D.</u> - juliana.osse@agronoma.eng.br (UNB - Universidade de Brasília / CNPH - Embrapa Hortaliças) ;CARVALHO, E. C. S. D. (DBB - UFV - Departamento de Bioquímica - Universidade Federal de Viçosa) ; FONTES, E. P. B. (DBB - UFV - Departamento de Bioquímica - Universidade Federal de Viçosa)

Resumo

Tomateiros transgênicos expressando ectopicamente uma versão mutante do gene NIK (NSP-Interacting Kianse), designada T474D mostraram-se resistentes ao begomovírus *Tomato yellow spot virus*. Na versão mutada T474D, um resíduo de treonina na posição 474 do receptor imune NIK foi substituída por aspartato causando ativação constitutiva da via de defesa antiviral mediada por NIK. Com o intuito de verificar se essas plantas transgênicas apresentam resistência a vírus de outros grupos, avaliações foram realizadas a partir da inoculação mecânica de dois vírus: Tomato spotted wilt virus (TSWV, Tospovirus) e Tomato mosaic virus (ToMV, Tobamovirus). O experimento foi conduzido em 2012 com quatro materiais: três acessos transgênicos T474-D2, T474-D5 e T474-D6, e um controle não transgênico (Money Maker WT). A inoculação mecânica foi feita duas semanas após o transplantio e cada vírus foi inoculado em quatro repetições, cada repetição com quatro plantas. O aparecimento de sintomas foi observado semanalmente, começando um dia após a inoculação (dpi). Os sintomas de ToMV surgiram 7 dpi em todas plantas inoculadas. Em plantas inoculadas com TSWV, os sintomas se iniciaram 10 dpi em todos os tratamentos de forma uniforme. Apesar de as plantas serem transgênicas resistentes a um begomovírus, elas não se mostraram resistentes à infecção por TSWV e ToMV. Isso indica que provavelmente os vírus TSWV e ToMV exibem estratégias de expressão gênica que superam os mecanismos de supressão de tradução de proteínas virais mediados pelo receptor imune NIK e efetivos contra begomovírus.

Apoio: INCT-CNPq, CAPES, EMBRAPA, UnB