

Monitoramento de tripses e pulgões e avaliação da ocorrência de viroses em cultivares de abóbora em campo

668-2

(Monitoring of thrips and aphids and evaluation of occurrence of virus diseases in six pumpkin cultivars under field conditions)

Autores: **LIMA, M. F.** - mirtes.lima@embrapa.br (CNPq - Embrapa Hortaliças) ; **FILHO, M. M.** (CNPq - Embrapa Hortaliças) ; **SOUZA, T. A.** (CNPq - Embrapa Hortaliças) ; **AMARO, G. B.** (CNPq - Embrapa Hortaliças) ; **SILVA, P.** (CNPq - Embrapa Hortaliças) ; **TEIXEIRA, A. C.** (UFRPE - Universidade Federal Rural de Pernambuco)

Resumo

O controle de insetos sugadores vetores de vírus é um dos principais desafios para a produção orgânica de abóboras. Neste trabalho avaliou-se a infestação de moscas-brancas, pulgões e tripses e a incidência de vírus em sete cultivares de abóboras híbridas, tipo japonesa (B8A; Fortuna; Jabras; Kanda; Kyoto; Sk; Tetsukabuto) sob sistema de produção orgânica. O experimento foi conduzido de outubro a novembro/2011, na Área de Pesquisa e Produção Orgânica de Hortaliças (APPOH), Embrapa Hortaliças. O delineamento foi blocos ao acaso com quatro repetições de uma parcela com cinco plantas cada, espaçadas por 3 m entre linhas e 1 m entre plantas. Semanalmente, em oito épocas de amostragem foram realizadas inspeções de captura de insetos em oito armadilhas adesivas amarelas (moscas-brancas e pulgões) e azuis (tripes) por parcela e detecção, por NCM-Elisa, de *Papaya ringspot virus*-type watermelon (PRSV-W), *Watermelon mosaic virus* (WMV), *Zucchini yellow mosaic virus* (ZYMV), *Cucumber mosaic virus* (CMV) e *Zucchini lethal chlorosis virus* (ZLCV). Não houve diferença significativa quanto à infestação de moscas-brancas, pulgões e tripses alados entre cultivares, mas a população dos vetores flutuou ao longo das avaliações, com picos de captura nas duas primeiras semanas e posterior declínio. A porcentagem de plantas com viroses foi de 0-25% (ZLCV) e 0-10% (demais vírus), sendo as maiores incidências a partir da quinta avaliação, entretanto sem diferença significativa entre os genótipos para os vírus avaliados.

Apoio: Embrapa, CNPq