

**A etiologia complexa de doenças causadas por fungos do gênero *Rhizoctonia* em *Brachiaria* e em culturas simpátricas de arroz, feijão-caupi ou soja na Amazônia, nos Cerrados Brasileiros e no Vale do Paraíba.** Chavarro-Mesa, E<sup>1,2</sup>; Pereira, DAS<sup>1,2</sup>; Schurt, DA<sup>3</sup>; Vieira Júnior, JR<sup>4</sup>; Ceresini, PC<sup>1</sup>. <sup>1</sup>Universidade Estadual Paulista-UNESP, (Câmpus de Jaboticabal e Ilha Solteira), Ilha Solteira-SP, Brasil. <sup>3</sup>EMBRAPA Roraima, Boa Vista, RR, Brasil. <sup>4</sup>EMBRAPA Rondônia, Porto Velho, RO, Brasil. <sup>1,2</sup>Bolsistas FAPESP 11/23050-8, 13/11944-0. E-mail: ceresini@bio.feis.unesp.br. The complex etiology of diseases caused by the genus *Rhizoctonia* on *Brachiaria* and on sympatric rice, cowpea and soybeans crops in the Amazon, in the Brazilian Cerrados and in Paraíba Valley

A queima-da-folha, a queima-da-bainha e a mela são doenças foliares comuns de grande importância no agroecossistema Amazônico, especialmente em lavouras de arroz, feijão-caupi e soja. Já a queima-da-folha da *Brachiaria* emergiu recentemente na região, tendo, possivelmente, se originado de culturas adjacentes de um dos hospedeiros citados. Por apresentar ampla distribuição e grande importância para os diferentes patossistemas, esse grupo de doenças causadas pelo complexo de espécies *Thanatephorus cucumeris* (anamorfo: vários grupos de anastomose de *Rhizoctonia solani*) requer melhor definição de sua etiologia. Para esclarecer a etiologia dos agentes causais associados à queima-da-folha, queima-da-bainha ou à mela, um amplo levantamento foi realizado na Amazônia nos estados do Pará, Rondônia, Roraima e nos Cerrados de Mato Grosso e em áreas de várzeas do Vale do Paraíba, em São Paulo, entre 2012 e 2013. Objetivou-se determinar a importância relativa dos principais AGs de *R. solani* associados à estas culturas. Testou-se a hipótese de que *R. solani* AG-1 IA é o principal agente causal deste grupo de doenças e a hipótese alternativa de que outros grupos de anastomoses do patógeno estão associados à estas doenças. Neste amplo levantamento, 515 amostras apresentaram micélio semelhante à fungos do gênero *Rhizoctonia*. A identificação dos patógenos foi baseada na caracterização morfológica das colônias e em análise filogenética da região ITS-5.8S do rDNA. Nossos dados evidenciaram a etiologia complexa das doenças causadas por fungos do gênero *Rhizoctonia* nestas três regiões. De maneira inédita, esses resultados indicaram que *R. solani* AG-1 IA predominou como patógeno associado à queima-da-folha da braquiária no bioma Amazônico Brasileiro, especialmente em Rondônia. Detectou-se, também, que um novo subgrupo de *R. solani* (o AG-1 IF) em Roraima. Ainda em Roraima, em proporção muito menor, constatou-se a ocorrência do AG-1 IA e do AG-1 ID. Já nos cerrados de Mato Grosso predominou *R. oryzae* (teleomorfase: *Waitea circinata* var. *oryzae*, espécie filogeneticamente distinta do complexo *T. cucumeris*) causando queima da base dos perfilhos na braquiária. Já os fungos *R. oryzae-sativae* (teleomorfase: *Ceratobasidium oryzae-sativae*) e *R. oryzae* predominaram em áreas de arroz em várzeas do Vale do Paraíba em São Paulo. No Pará, além da ocorrência de *R. solani* AG-1 IA, detectou-se, também, a ocorrência de *R. oryzae* e de *Rhizoctonia zeae* (teleomorfase: *W. circinata* var. *zeae*). Apoio financeiro: DR-FAPESP (2011/23050-8) a ECM; MS-FAPESP (2013/11944-0) a DASP; Auxílio pesquisa FAPESP-BIOTA (2011/50150-3).

**Palavras-chave:** Etiologia, *Rhizoctonia solani* AG-1 IF, mela, *R. oryzae*, *R. oryzae-sativae* queima-da-Folha, ITS-5.8S rDNA, arroz, feijão-caupi, soja, *Brachiaria*